
新型冠状病毒信息快报

编号：2020-10 总第 10 期 2020-03-15

中国科学院成都文献情报中心 中国科学院昆明动物所

本期看点

新闻动态

习近平就科技战“疫”作出指示.....	3
分区分级做好防控与保障并精准防范疫情输入输出.....	4
“重大疫情的环境安全与次生风险防控重大项目”指南发布.....	4
科技部与中科院召开疫情防控科研攻关工作交流会.....	5
世界卫生组织发布新冠肺炎全球研究路线图.....	6
美国、英国政府加大对疫情防控相关科研领域的投入.....	6
研究显示儿童新冠肺炎诊治需重视粪口传播.....	7
《柳叶刀》社论提出中国抗疫经验值得各国学习.....	7
数据驱动模型指导全球应对新冠大流行.....	8

研究专题：冠状病毒溯源

MERS 病毒对骆驼血清抗体的中和作用：血清学比较研究.....	9
MERS 病毒抗体的存在：全国性横断面血清学研究.....	9
马来亚穿山甲受到了仙台病毒和冠状病毒感染.....	10
2019 新型冠状病毒基因组学特征研究.....	10

基于 RNA 的 mNGS 方法鉴定出一种新型冠状病毒.....	11
新型冠状病毒的全球扩散：分子进化分析	12
马来亚穿山甲中 SARS-CoV-2 冠状病毒的鉴定	12
基于冠状病毒刺突蛋白和宿主 ACE2 受体研究 SARS-CoV-2 中间宿主	13
SARS-CoV-2 溯源研究概览.....	13
专题平台	
科睿唯安新型冠状病毒研究资源专栏	16
国图开放 ProQuest 数据库资源	16
新冠肺炎防治专利情报专题数据库	16
OpenKG 中文开放知识图谱新冠专题.....	16

习近平就科技战“疫”作出指示

(来源：央视新闻客户端)

3月16日出版的第6期《求是》杂志发表了习近平总书记的重要文章《为打赢疫情防控阻击战提供强大科技支撑》。习近平指出，要借助科学技术的力量战疫情，并强调要做好10件事。

(1)我们对新冠肺炎疫情的源头和宿主、传播途径、致病机理、危害性致命性、诊疗方案、救治药物以及患者康复后是否存在后遗症等，都还没有完全搞清楚。(2)要加强药物、医疗装备研发和临床救治相结合，切实提高治愈率、降低病亡率。尽最大努力挽救更多患者生命是当务之急、重中之重。(3)科研攻关要把危重症患者救治当作头等大事，坚持临床研究和临床救治协同，让科研成果更多向临床一线倾斜。(4)疫苗作为用于健康人的特殊产品，对疫情防控至关重要，对安全性的要求也是第一位的。(5)统筹病毒溯源及其传播途径研究，搞清楚病源从哪里来、向哪里去。(6)要把生物安全作为国家总体安全的重要组成部分，加强疫病防控和公共卫生科研攻关体系和能力建设。(7)要研究建立疫情蔓延进入紧急状态后的科研攻关等方面指挥、行动、保障体系，平时准备好应急行动指南，紧急情况下迅速启动。(8)要完善关键核心技术攻关的新型举国体制，加快推进人口健康、生物安全等领域科研力量布局，整合生命科学、生物技术、医药卫生、医疗设备等领域的国家重点科研体系。(9)要加快补齐我国高端医疗装备短板，加快关键核心技术攻关，突破这些技术装备瓶颈，实现高端医疗装备自主可控。(10)要加强同世卫组织沟通交流，同有关国家特别是疫情高发国家在溯源、药物、疫苗、检测等方面的科研合作。

发布时间：2020-03-16

链接地址：http://news.youth.cn/sz/202003/t20200316_12240346.htm

分区分级做好防控与保障并精准防范疫情输入输出

(来源：人民网)

3月12日，中共中央政治局常委、国务院总理、中央应对新冠肺炎疫情工作领导小组组长李克强主持召开领导小组会议。

会议指出，要认真贯彻习近平总书记在湖北省考察疫情防控工作时的重要讲话精神，按照中央应对疫情工作领导小组部署，继续着力抓好武汉和湖北疫情防控特别是重症患者救治，精准防范疫情跨境输入输出，加大困难群众救助力度，采取有效措施推动加快复工复产。

发布时间：2020-03-12

链接地址：<http://politics.people.com.cn/n1/2020/0312/c1024-31629658.html>

“重大疫情的环境安全与次生风险防控重大项目”指南发布

(来源：国家自然科学基金委员会)

国家自然科学基金委员会3月6日发布了“重大疫情的环境安全与次生风险防控”重大项目2020年度项目指南。

该项目的科学目标为深刻认识病毒与环境介质交互作用机理，创建复杂介质中病毒富集、分离和存活能力检测新方法，研究其存活、凋亡、转移和转化规律；探明病毒在不同化学和生物作用下的灭活效能，突破环境中病毒安全消杀与次生风险控制的关键技术；研究重大疫情下药品和化学品导致环境次生风险、生态损伤的过程机制，建立疫中、疫后风险评估和生态修复的理论框架和方法体系；提出应对重大疫情的环境风险调控策略，为健全国家生物安全防控体系和公共卫生应急体系提供基础科学支撑。

研究内容包括以下五个方向：环境介质中的病毒识别与传播规律，疫情聚集区环境污染及次生风险阻控机制，分散型疫区多点位环境风险的协同控制原理，控疫药品和化学品的环境污染及生态效应，重大

疫情的生态环境风险综合评估与防控策略。

发布时间： 2020-03-11

链接地址：<http://www.nsf.gov.cn/publish/portal0/tab442/info77535.htm>

<http://www.nsf.gov.cn/publish/portal0/tab568/info77534.htm>

科技部与中科院召开疫情防控科研攻关工作交流会

(来源：中科院)

3月14日，科学技术部与中国科学院召开疫情防控科研攻关工作交流会，就中科院开展的疫情防控攻关工作及推动双方建立联动机制进行交流。

会上，中科院应对疫情科研攻关组组长、前沿科学与教育局局长徐涛作总体工作汇报，相关方向负责人分别就应急药物研发、快速检测产品研发、疫苗及抗体研发、病毒溯源、应对疫情国际科技合作、武汉协调办公室近期工作等方面进行专题汇报。武汉金银潭医院等合作意愿希望中科院能帮助在“非接触式听诊器”方面投入力量进行攻关，以解决当前临床急需。

白春礼在讲话中指出，在科技部大力支持下，中科院大部分攻关工作都纳入到国家整体科技攻关任务当中，在病毒溯源研究、快速检测产品研发、应急药物研发、动物模型创制、疫苗与抗体研发等方面取得一系列进展，并对下一步工作提出了建议

王志刚在总结讲话中对中科院前一阶段的疫情防控科研攻关工作给予高度肯定。并从疫苗研发、病毒溯源、国际合作、科研和临床结合、共同推进传染病研究体系建设、人才队伍、基础研究等方面提出了建议和要求。

发布时间：2020-03-15

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/3/437011.shtm>

世界卫生组织发布新冠肺炎全球研究路线图

(来源：新浪网)

世界卫生组织3月6日的媒体通报会上正式发布针对新冠肺炎的全球研究路线图，明确了包括病毒自然史、流行病学、疫苗、诊断试剂、治疗工具、临床管理、伦理考量、社会科学等九大关键领域的核心优先事项。

世卫组织在全球研发路线图报告中指出，此次疫情暴发期间，全球研究人员的交流和信息共享也是史无前例的，促进了各国科学家间的协作，使得研究行动的执行速度比以往任何时候都要快。为了进一步加强协调，全球研究路线图是一个至关重要的工具。路线图明确了9个研究优先领域，包括交叉研究重点，并针对短期、中长期优先事项制定了未来一年内实施部分研究行动的时间表。

发布时间：2020-03-09；

链接地址：<https://tech.sina.com.cn/d/2020-03-09/doc-iimxxstf7462614.shtml>

美国、英国政府加大对疫情防控相关科研领域的投入

(来源：澎湃新闻)

美国总统特朗普3月6日签署了一项83亿美元的紧急拨款法案，以加强美国对日益严重的新型冠状病毒疫情的响应，其中逾30亿美元用于疫苗、试剂盒和治疗药物的研发。

3月7日，英国首相约翰逊表示英国政府已经在新冠病毒疫苗的研发和检测试剂盒方面投入了4600万英镑（约合人民币4.2亿元），这笔投入资金将能够帮助英国在一年后研究出预防新冠病毒的疫苗。

发布时间：2020-03-09；

链接地址：https://www.thepaper.cn/newsDetail_forward_6401119

研究显示儿童新冠肺炎诊治需重视粪口传播

(来源：新华网)

澳门科技大学医学院和广州市妇女儿童医疗中心研究人员合作，于13日在期刊《自然·医学》上发表研究说，很多儿童感染新冠病毒后临床表现与成人患者有差异，而研究人员发现，对儿童患者来说病毒经粪口传播的可能性较高，从这个角度去诊断和治疗可能效果更佳。研究团队介绍，很多情况下儿童与成人相比，感染新冠病毒后的临床表现反而不严重，往往没有成人患者普遍出现的高烧、咳嗽和乏力等临床表现，许多儿童患者肺部X光片和实验室指标也无明显病变特征。

发布时间：2020-03-15

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/3/436989.shtml>

《柳叶刀》社论提出中国抗疫经验值得各国学习

(来源：新华网)

英国医学期刊《柳叶刀》6日发表社论说，有证据表明，中国政府通过在应对新冠肺炎疫情中的巨大公共卫生投入，已成功挽救了成千上万人的生命。中国的抗疫经验值得各国学习。文章说，根据中国-世界卫生组织新冠肺炎联合专家考察组的报告，中国在应对这次疫情中采取了强有力的公共卫生措施，可能因此成功避免了出现大量的感染和死亡病例。在这份联合专家考察组的报告中，世界卫生组织建议各国都要启动最高级别的国家应急处置方案，以确保政府、全社会共同参与，遏制病毒传播。很多国家政府都已为医疗卫生专业人员发布了相关指南，但仅发布这些建议并不够，各国亟需迅速通过研讨会、在线教学、智能手机互动等方式，对医疗卫生工作人员进行指导。此外，应及时提供各种仪器装备，比如个人防护用具、呼吸机和检测试

剂等，同时加强医疗物资的供应链管理。

发布时间：2020-03-07

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/3/436739.shtm>

数据驱动模型指导全球应对新冠大流行

（来源：澎湃新闻）

顶级学术期刊《科学》(Science) 子刊《科学转化医学》(Science Translational Medicine) 在线发表社论文章“新冠状病毒暴发：大流行预防的框架问题。作者们聚焦防控流行病中起着重要作用的预测问题，他们认为目前针对新冠肺炎 (COVID-19) 的一些预测数学模型都相对简单，不足以支撑专家们达成共识并指导疾病防控。然而，更全面的数学模型可能需要几个月甚至几年来开发和验证。现有的此前为流感大流行或 SARS、MERS 疫情开发的数学模型或可借鉴，这些模型考虑了病原体、社会和干预变量的变化，准确性进一步提高。

发布时间：2020-03-12

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/3/436914.shtm>

研究专题：冠状病毒溯源

MERS 病毒对骆驼血清抗体的中和作用：血清学比较研究

（来源：Lancet Infectious Diseases）

2013 年 8 月 9 日，荷兰国立公共卫生和环境研究所、荷兰鹿特丹伊拉兹马斯医学中心和德国波恩大学医学中心等研究人员联合在《Lancet Infectious Diseases》发表文章，研究人员对来自中东（阿曼）和其他地方（西班牙、荷兰、智利）等地的动物血清进行了 MERS-CoV 受体结合 S 亚基的蛋白质微阵列测试。结果表明，来自阿曼的骆驼血清中均发现了 MERS-CoV 的蛋白质特异抗体，而来自欧洲绵羊、山羊、牛等其他动物血清中没有这种抗体，说明 MERS-CoV 等相关病毒已经感染了骆驼种群，骆驼可能是 MERS-CoV 的潜在传染源。

文献信息：Middle East respiratory syndrome coronavirus neutralising serum antibodies in dromedary camels: a comparative serological study. Lancet Infectious Diseases. 2013-08-09;

链接地址：

[https://www.thelancet.com/journals/laninf/article/PIIS1473-3099\(13\)70164-6/fulltext](https://www.thelancet.com/journals/laninf/article/PIIS1473-3099(13)70164-6/fulltext)

MERS 病毒抗体的存在：全国性横断面血清学研究

（来源：Lancet Infectious Diseases）

2015 年 4 月 8 日，以德国波恩大学医学中心为主的研究团队在《Lancet Infectious Diseases》上发表论文。收集了沙特阿拉伯的 10009 名普通人、87 名骆驼饲养员和 140 名屠宰场工作人员的血清，并采取了一系列的生物学实验方法，如 ELISA：（包被 HEK293T 细胞表达的 S1 重组蛋白）、免疫荧光法（用 VeroB4 细胞表达 MERS-CoV Spike 全长蛋白）和空斑减少中和实验来检测血清中的抗 MERS 病毒的抗体。结果表明：骆驼饲养员和屠宰场工作人员的血清抗 MERS

病毒抗体的血清阳性率分别比普通人高出 15 和 23 倍，且平均年龄比入院 MERS 患者低 10 岁左右，说明接触骆驼的工作人员具有较高的感染 MERS-CoV 病毒风险。

文献信息：Presence of Middle East respiratory syndrome coronavirus antibodies in Saudi Arabia: a nationwide, cross-sectional, serological study. Lancet Infectious Diseases. 2015-04-08;

链接地址：

[https://www.thelancet.com/journals/laninf/article/PIIS1473-3099\(15\)70090-3/fulltext](https://www.thelancet.com/journals/laninf/article/PIIS1473-3099(15)70090-3/fulltext)

马来亚穿山甲受到了仙台病毒和冠状病毒感染

（来源：Viruses）

2019 年 10 月 24 日，广东省动物保护中心陈金平团队在《Viruses》杂志发表文章，通过宏基因组测序分析发现，马来亚穿山甲中携带有仙台病毒和冠状病毒，提醒穿山甲可能是一种病毒传播者。在这 11 只穿山甲中发现 2 只个体中检测到多种冠状病毒。并利用系统发育分析，发现这些冠状病毒与 4 个冠状病毒属关系复杂，揭示了穿山甲中冠状病毒的复杂遗传关系和高物种多样性。

文献信息：Viral Metagenomics Revealed Sendai Virus and Coronavirus Infection of Malayan Pangolins (Manis javanica). Viruses. 2019-10-24;

链接地址：<https://www.mdpi.com/1999-4915/11/11/979>

2019 新型冠状病毒基因组学特征研究

（来源：Emerging Microbes & Infections）

2020 年 1 月 28 日，香港大学研究人员在《Emerging Microbes & Infections》杂志发表论文，对从感染 2019 新型冠状病毒（SARS-CoV-2）病人身上提取的病毒基因组进行了生物信息学分析，

并与其他相关的冠状病毒基因组进行了比较。结果显示, SARS-CoV-2 的基因组与蝙蝠 SARS 样冠状病毒具有 89% 的同源性, 与 SARS-CoV 具有 82% 的同源性。并且该病毒的 orf1a/b、刺突蛋白、包膜蛋白、膜蛋白以及核蛋白的系统发育树与蝙蝠、果子狸体内的冠状病毒和 SARS-CoV 紧密聚集, 显示蝙蝠及果子狸是该病毒的潜在动物来源。

文献信息: Genomic characterization of the 2019 novel human-pathogenic coronavirus isolated from a patient with atypical pneumonia after visiting Wuhan. *Emerging Microbes & Infections*. 2020-01-28;

链接地址: <https://www.tandfonline.com/doi/full/10.1080/22221751.2020.1719902>

基于 RNA 的 mNGS 方法鉴定出一种新型冠状病毒

(来源: *Emerging Microbes & Infections*)

2020 年 2 月 5 日, 武汉大学、华中科技大学及中山大学的研究团队联合在《*Emerging Microbes & Infections*》发表论文, 研究人员利用宏基因组下一代测序法 (mNGS) 对从患有新型肺炎的病人支气管肺泡灌洗液 (BALF) 提取的 RNA 进行了测序, 揭示了新型冠状病毒 (SARS-CoV-2) 的基因组特征。同时, 研究人员对基因组进行了系统遗传分析, 显示 SARS-CoV-2 跟蝙蝠冠状病毒的部分 RdRp 基因具有极高的相似度, 并且 orf1a/1b、S 和 N 等基因的进化分析也显示, SARS-CoV-2 极有可能是一种从动物 (如蝙蝠) 独立引入人体的新型 CoV。

文献信息: Prior infection and passive transfer of neutralizing antibody prevent replication of severe acute respiratory syndrome coronavirus in the respiratory tract of mice. *Emerging Microbes & Infections*. 2020-02-05;

链接地址: <https://www.tandfonline.com/doi/full/10.1080/22221751.2020.1725399>

新型冠状病毒的全球扩散：分子进化分析

(来源：Pathogens and Global Health)

2020年2月12日，意大利罗马生物医学自由大学、巴西奥斯瓦尔多研究所、美国佛罗里达大学的研究人员在《Pathogens and Global Health》杂志发表文章，利用新型冠状病毒 SARS-CoV-2 的 29 个全基因组序列和 2 株来自基因文库高度同源的蝙蝠 SARS 样冠状病毒的全基因组序列，建立了最大可信度发育树。通过对病毒的地理信息进行重建，揭示了 2019-2020 年传播的 SARS-CoV-2 最有可能是起源于菊头蝠中的 SRAS 样冠状病毒。同时流行病学研究表明，病毒爆发最有可能的地理起源是中国武汉，分子钟分析显示，病毒最早出现的时间可能是 2019 年 11 月 25 日左右。

文献信息：The global spread of 2019-nCoV: a molecular evolutionary analysis. Pathogens and Global Health. 2020-02-12;

链接地址：

<https://www.tandfonline.com/doi/full/10.1080/20477724.2020.1725339?journalCode=ypgh20>

马来亚穿山甲中 SARS-CoV-2 冠状病毒的鉴定

(来源：bioRxiv)

2020年2月18日，香港大学和广西医科大学的科研人员在预印本网站 bioRxiv 发表文章，对中国南方反走私行动中查获的穿山甲体内的 SARS-CoV-2 相关冠状病毒进行了鉴定。通过宏基因组测序确定了穿山甲中的 CoV 属于 SARS-CoV-2 相关冠状病毒的两个子谱系，其中一个其受体结合域与 SARS-CoV-2 具有密切关联。该研究表明，穿山甲可能是 SARS-CoV-2 的潜在中间宿主，应该将市场中的穿山甲进行清理以防止人畜共患病传播。

文献信息: Identification of 2019-nCoV related coronaviruses in Malayan pangolins in southern China. bioRxiv. 2020-02-18;

链接地址: <https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2020.02.13.945485v1>

基于冠状病毒刺突蛋白和宿主 ACE2 受体研究 SARS-CoV-2 中间宿主

(来源: Journal of Medical Virology)

2020年2月26日,湖北医药学院附属人民医院和暨南大学的科研人员联合在《Journal of Medical Virology》上发表论文,采用冠状病毒刺突蛋白和宿主 ACE2 受体的组成和差异,预测 SARS-CoV-2 的潜在中间宿主。该研究的重点是比较 SARS-CoV-2 与 SARS-CoV、蝙蝠 SARS 样 CoV 和其他冠状病毒之间的刺突序列。这有助于进行进化分析,并寻找可能的病毒库。此外,对 ACE2 结构和结合基序比对的分析,有助于提供线索来区分潜在宿主。研究结果表明,从具有 ACE2 受体 41 和 353 位的 RBD 域中的 Asn501 来看,龟类和穿山甲似乎比蝙蝠更接近人类。这表明龟类和穿山甲可能是 SARS-CoV-2 的潜在宿主。

文献信息: Composition and divergence of coronavirus spike proteins and host ACE2 receptors predict potential intermediate hosts of SARS - CoV - 2. Journal of Medical Virology. 2020-02-26;

链接地址: <https://onlinelibrary.wiley.com/doi/full/10.1002/jmv.25726>

SARS-CoV-2 溯源研究概览

(供稿人:中国科学院成都文献情报中心 田雅娟 周涛等)

随着新型冠状病毒在我国以及世界蔓延,病毒起源却一直扑朔迷离,无法确定其感染人类途径,但这对于当前明确传染源,切断传播

途径，以及疾病防治都至关重要。因此，科学家围绕 2019 新型冠状病毒(SARS-COV-2)开展大量病毒溯源研究。目前，有关 SARS-COV-2 溯源研究主要集中在原始宿主、中间宿主等方面。科学家们的前期研究一般认为 SARS-COV-2 的原始宿主为蝙蝠。2 月 11 日，世界卫生组织发布的新型冠状病毒 (SARS-COV-2) 情况报告表示，越来越多的证据表明，SARS-COV-2 和在蝙蝠中传播的冠状病毒之间存在联系。更具体地说，是与在蝙蝠亚种菊头蝠 (*Phinolophus bat*) 中传播的冠状病毒有关。同时，该报告也指出，SARS-COV-2 疫情开始时向人类传播的途径仍不清楚。

与此同时，本次疫情从 12 月下旬才收到了有感染病例的消息，而武汉的蝙蝠在当时已经进入冬眠。由已有研究可知目前已知的最接近于 SARS-COV-2 病毒序列的蝙蝠冠状病毒 BatCovRaTG13，基因组序列同源性为 96.2%，其差异片段与蝙蝠冠状病毒相距较远。因此，理论上就还应该有更近的中间宿主。另外，从 SARS 和 MERS 的传播途径中可以看到，虽然病毒储库一开始都是蝙蝠，但是都有其中间宿主才传播至人类。根据以上原因，科学家们认为很可能有中间宿主的存在。

围绕中间宿主，先后有研究分析了中间宿主是蛇、水貂和穿山甲的可能性。关于中间宿主为蛇这一假说公开之后即受到许多其他研究的质疑；水貂宿主假说目前还只有一篇论文进行了研究，后续未见跟进讨论；穿山甲宿主假说目前研究最多，论据最为充分，包括：华南农大报道穿山甲基因组中分离出编码结构蛋白 S、E、M 和 N 分别与 SARS-COV-2 的氨基酸同源性为 90.4%、100%、98.2%和 96.7%，尤其是 S 蛋白的受体结合结构域(RBD)和 SARS-COV-2 的 S 蛋白 RBD 只差 1 个氨基酸；贝勒医学院发现穿山甲冠状病毒感染人关键的受体结合域 (RBM) 同新冠病毒相比极为相似；斯坦福大学药学院通过

NCBI sra 库中的核酸序列对比，发现穿山甲病毒与 SARS-COV-2 非常同源；香港大学等发现在冠状病毒受体结合域，穿山甲病毒与 SARS-COV-2 相似度是 97% 等。

除了溯源研究外，还有一些研究重点关注病毒发源地。相关研究表明，从目前已发布的病例及病毒基因组分析来看，起源地为武汉华南海鲜市场的说法基本被否定，病毒开始传播时间可能或者早于 2019 年 11 月下旬。更多的分析可能会随着更多早期病例的发现以及更多病毒基因组的披露与研究获得进一步的结果。

根据已有的文献信息得到了 SARS-COV-2 病毒溯源关键性研究的时间轴，详情请见下图。

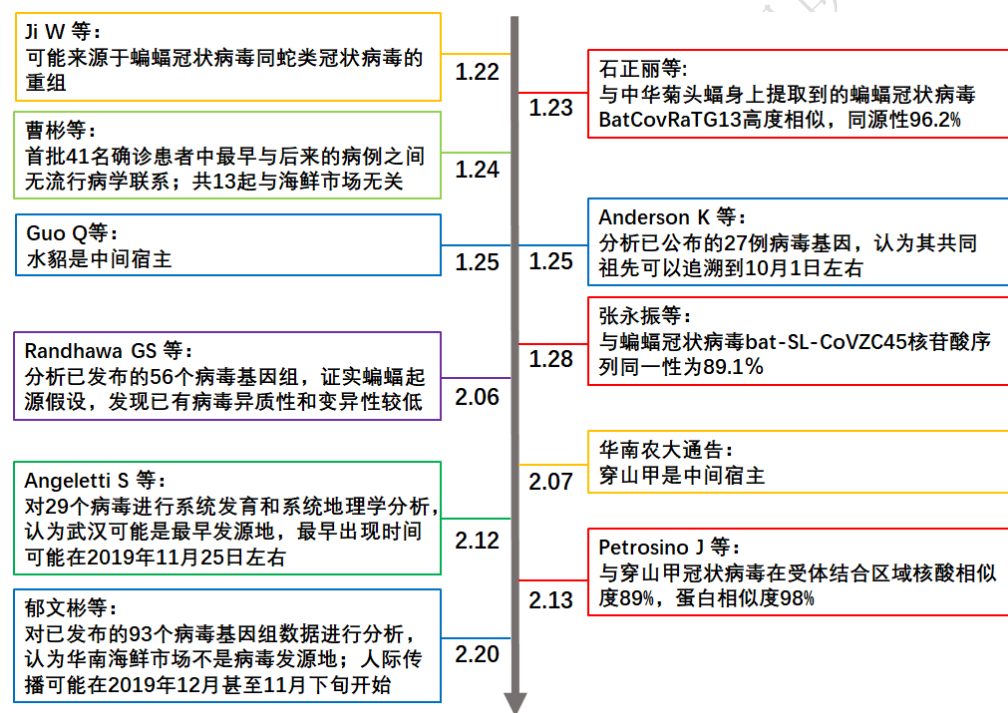


图 COVID-19 溯源关键研究发展时间轴

专题平台

科睿唯安新型冠状病毒研究资源专栏

链接: <http://clarivate.com.cn/coronavirus-resources/index.htm>

简介: 科睿唯安“新型冠状病毒研究资源专栏”集成了科睿唯安的Cortellis 数据库、Web of Science 平台和 Derwent Innovation 平台中关于冠状病毒的专业信息以及相关研究文献,帮助读者快速了解冠状病毒的专业知识,相关药物的研发进展,以及关于冠状病毒的热点研究。

国图开放 ProQuest 数据库资源

链接: <https://search.proquest.com/>

简介: 新冠疫情期间,国家图书馆开放了其购买的全部 ProQuest 数据库资源,包括期刊、书籍、学位论文、报纸等各类文献信息,共计 17 个数据库产品,共访问者进行免费查阅和下载。免费开放的截止日期为 2020 年 4 月 30 日。

新冠肺炎防治专利情报专题数据库

链接: <http://2019-ncov.zlds.com/>

简介: “新冠肺炎防治专利情报专题数据库”由国家知识产权局知识产权出版社有限责任公司主办,数据库中共收录了与新冠肺炎防治相关的诊断检测、抗病毒药物、医用呼吸防护、环境消毒与废弃物处理等方面相关的 19 个类目的专利文献,供访问者进行免费检索、查阅和下载。

OpenKG 中文开放知识图谱新冠专题

链接: <http://openkg.cn/group/coronavirus>

简介: OpenKG 是中国中文信息学会语言与知识计算专业委员会所倡导的开放知识图谱项目,目前设立了新冠相关的开放知识图谱专

题,主要集成了新冠肺炎相关的流行病学调查、防控措施、知识概念、科学研究、人物事件、临床诊疗等领域的知识图谱资源集,供访问者进行免费查阅和下载。

重要网址链接:

中科院成都文献情报中心新型冠状病毒(2019-nCoV)集成信息平台:

<http://www.clas.ac.cn/xwzx2016/163486/xxfysjpt2020/>

柳叶刀 Lancet 新冠病毒信息资源中心:

<https://www.thelancet.com/coronavirus>

说明:

当前抗击 2019 新型冠状病毒(2019-nCoV)已经到了关键时期,相关研究机构纷纷行动起来,开展疫情防治、病毒研究、药品研制等工作。成都文献情报中心学科咨询服务部与昆明动物所图书馆携手,聚焦防疫一线,及时、准确地提供重点科技信息,支撑工作在防疫一线科研人员的信息需求。

诚挚邀请科研人员及相关人员与我们联系,提出更多有针对性需求与建议,以便进一步提供个性化的服务与产品。我们希望与科研人员一起众志成城,坚决打赢这场防疫抗疫攻坚战!

本期所有摘编信息均有原始出处,请在使用过程中通过“链接地址”获取原始信息,并自行甄别和使用。由于水平有限,所摘编内容难免有疏漏,还请谅解。

《新型冠状病毒信息快报》

主 编: 杨志萍

编 辑 部: 中国科学院成都文献情报中心学科咨询部

中国科学院昆明动物所图书馆

编 辑: 刘加兰 卿立燕 徐英祺 史继强 刘忠禹

电子邮件: liujl@mail.kiz.ac.cn (刘加兰, 中国科学院昆明动物所)

qingly@clas.ac.cn (卿立燕, 中国科学院成都文献情报中心)

电 话: 0871-65132477 (刘加兰) / 13982261680 (卿立燕)

本期责任编辑: 陆颖