
新型冠状病毒信息快报

编号：2020-13 总第 13 期 2020-04-03

中国科学院成都文献情报中心 中国科学院昆明动物所

本期看点

新闻动态

- 科技部安排 3.2 亿元科研经费应对疫情3
- 中央指导组表示要加快新冠肺炎疫苗、治疗技术和药物科研攻关4
- 中国科技在全球战“疫”中贡献“硬核”力量5
- T 细胞功能耗竭和多样性丧失是新冠肺炎重症发展的风险因素6
- 清华大学研发的新冠肺炎疫苗、抗体药物取得重要进展6
- 仝小林团队披露新冠治疗三项最新成果7
- 德国发现高效的病毒检测新方法8
- “世界最快”新冠病毒检测技术有何特点9

研究专题：冠状病毒溯源（二）

- 造成 COVID-19 疫情的 SARS-CoV-2 可能起源于穿山甲10
- β 冠状病毒的快速分类以及潜在来源研究10
- 致病性冠状病毒的起源和进化11
- 蝙蝠 SARS 相关冠状病毒的丰富基因池探索11
- 中国蝙蝠冠状病毒的广泛多样性12

沙特阿拉伯骆驼体内冠状病毒的流通及与 MERS-CoV 的重组13
与 SARS-CoV 相关新型蝙蝠冠状病毒的分离和鉴定13

政策与项目

科技部发文规范新型冠状病毒肺炎疫情期间已上市药品临床研究..15
联合国发起新冠肺炎全球响应计划15
WHO 携手中国卫健委、IBM 等联合开展新冠数据中心项目16
湖南公布 10 个中医药新冠肺炎科研专项17

中科院成都文献情报中心&中科院昆明动物研究所

科技部安排 3.2 亿元科研经费应对疫情

(来源：搜狐网)

科技部资源配置与管理司司长张晓原 4 月 3 日透露,疫情爆发后,科技部组织全国的优势科研力量投入到抗疫一线。目前已经部署了 68 个应急项,安排科研经费 3.2 亿元。对于这样一些项目,科技部主要采取了四个方面的比较特殊的组织方式:一是特事特办,快速响应。科技部迅速成立了 13 个部门,共同组织科研攻关组,另外还有钟南山院士的参加 14 个人的专家组,迅速组织优秀科研团队进行项目部署,当天立项、当天科研启动经费就能拨付到位。二是多路并行、多组推进。这次新冠病毒是一个人类未知的新发病毒,为了在最短时间内找到突破口,科技部组织了多支科研团队,同步进行攻关。比如在疫苗研制方面,总共部署了 5 种技术路线,每一种技术路线都有 1-3 个团队进行同步攻关。三是全程跟踪,全程服务。总共设立了 10 个工作专班,而且为每个项目配备了项目专员,及时跟踪了解协调解决在科研项目攻关过程中遇到的实际困难和问题,另外还派出了“前方小组”常驻武汉,组织协调武汉一线医疗、科研机构共同参与相关的攻关工作。四是加强协同,强化联动。科技、卫生、药监等管理部门无缝衔接,在推进血浆采集、试剂审批、病毒毒株共享利用等方面联动工作,确保有关的应急攻关项目能够顺利实施。

张晓原表示,经过各个方面的共同努力,一方面迅速完成了病原鉴定和全基因组测序。另外一方面,也是不断将阶段性成果推荐给临床救治一线,已经有试剂和药物方面 11 个阶段性科研成果纳入到《诊疗方案》中。

发布时间: 2020-04-03;

链接地址: <http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437903.shtml>

中央督导组表示要加快新冠肺炎疫苗、治疗技术和药物科研攻关

(来源：央视新闻客户端)

为深入贯彻习近平总书记重要指示精神，落实中央应对疫情工作领导小组部署，中共中央政治局委员、国务院副总理、中央指导组组长孙春兰1日召开抗疫一线专家院士和科研工作者座谈会，听取新冠肺炎疫苗研发、治疗技术和药物科研攻关等进展情况汇报，强调要坚持临床和科研结合，打破壁垒，总结经验，给予更大支持，推动超常规创新，为战胜疫情提供有力的科技支撑。

孙春兰说，在湖北武汉抗疫斗争中，有关院士、专家带领团队科研人员，针对前期没有特效药可用的状况，以救治需求为导向，筛选出中药“三药三方”等一批具有明显疗效的药物，推动重组新冠疫苗启动临床试验，血浆治疗、干细胞治疗等技术实现突破进展，不断完善诊疗方案，患者治愈率从初期的14%提升到93%。这些成果是抗击疫情中国方案的重要组成部分，为新冠肺炎有效救治提供了有力保障，提振了全国人民的信心，彰显了我国医疗科研攻关和自主创新能力。当前以武汉为主战场的全国本土疫情传播基本阻断，外防输入、内防反弹成为疫情防控工作重点，要充分发挥有效药物和治疗技术的作用，加快疫苗研发进度，优化临床应用注册申报、审批流程，争取早日取得关键突破。及时借鉴吸收各国科研成果，总结推广有效药物和治疗技术，特别是推动中医药“走出去”，在新冠肺炎防控国际合作中发挥积极作用。

发布时间：2020-04-01

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437790.shtml>

中国科技在全球战“疫”中贡献“硬核”力量

(来源：人民日报海外版)

新冠肺炎疫情蔓延全球。危难之际，中国将疫情防控的“中国经验”悉数公开，以“硬核”的科技力量，助力全球抗疫行动。

一方面，合作共享理念贯穿科技攻关全程。第一时间共享病毒基因组信息、搭建相关数据和科研成果共享平台、开展疫苗研发国际合作……科学数据和信息共享是国际合作的前提和基础，同舟共济、合作共享贯穿着中国抗疫科技攻关的全过程。

另一方面，中国坚持通过国际合作开展疫苗研发。科技部副部长徐南平表示，目前，中国疫苗研发五条技术路线同步推进，每一条技术路线都有国际合作、都是对外开放的。除了及时共享科学数据、技术成果和防控策略外，中国未来还将继续与各国深入开展疫情防控、患者救治、基础研究等科技攻关合作交流，为全球抗疫贡献力量。

第三，中国还派出人员到疫情最严重地区提供技术服务。徐南平说，“在对外援助上，我们有科技产品、有科研人员参与，还有我们研究的中国方案、中国经验，到疫情严重的地区提供技术服务。”

此外，中国还利用新应用推动国际科技交流。疫情发生以来，新技术的应用为中外科技交流合作提供了丰富的场景，推动国际科技交流方式升级。通过远程会诊、视频会议等方式，中国科学家与国际同行深入交流，进行技术合作研究和技术服务，将疫情防控的中国经验同世界分享。

发布时间：2020-04-02

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437805.shtml>

T 细胞功能耗竭和多样性丧失是新冠肺炎重症发展的风险因素

(来源：科技日报)

记者 31 日从中科院昆明动物研究所获悉，为深入了解新冠肺炎的关键免疫特征，并为诊断和治疗提供思路，中国科学院昆明动物研究所与云南省传染病专科医院团队合作展开深入研究。他们发现，T 细胞功能耗竭和多样性丧失，是新冠病毒肺炎重症发展的风险因素。

中科院昆明动物研究所博士郑宏毅介绍，双方研究团队依照医学伦理和规范，采集 16 名新冠肺炎患者的外周血，检测了白细胞的多种免疫表型和功能特征。他们发现，除年龄和基础性疾病是新冠肺炎重症高危因素外，在免疫细胞的活化、调控和功能水平上，感染者与健康人存在显著差异，包括血浆炎症介质 sCD14 浓度增加，CD4+T 细胞分泌 IFN- γ 、TNF- α 和 IL-2 等功能分子的能力减弱，以及 CD8+T 细胞表达 Foxp3、TIGIT 等调控分子的细胞比例增加。在对数据进行深度挖掘后，鉴定出 CD4+T 细胞功能多样性损伤和以 TIGIT 为代表的免疫负调控分子在 CD8+T 细胞过度表达引起的细胞功能耗竭可能是新冠肺炎重症发展的关键免疫风险因素。该研究为新冠肺炎的免疫治疗策略提供了线索。

发布时间：2020-03-31

链接地址：

http://www.stdaily.com/index/kejixinwen/2020-03/31/content_911808.shtml

清华大学研发的新冠肺炎疫苗、抗体药物取得重要进展

(来源：中国新闻网)

清华大学科研院副院长邓宁 1 日在北京市政府新闻办公室举行的发布会上提到：清华大学张林琦团队研发的拥有自主知识产权病毒载体的腺病毒疫苗和 mRNA 单克隆抗体药物取得重要进展，5 月底均

可进入动物安全性和有效性试验阶段。该团队已成功分离出 200 余株具有高效中和能力的抗新冠病毒单克隆抗体及其编码基因。团队已启动了与腾盛博药、药明康德的联合攻关，打通了研发、试验、生产的全链条，5 月底疫苗和抗体药物均可进入动物安全性和有效性试验阶段。邓宁表示，针对新冠肺炎疫情防控，清华大学部署组织了 8 个抗疫科技攻关突击队，分别是：病患预防检测及确诊检测技术、超敏定量 PCR 试剂盒技术、抗体药物及疫苗、室内及楼宇空气杀毒技术、基于蛋白的病毒传播阻断剂、干细胞炎症治疗药物、流行病学研究和心理康复系统。

发布时间：2020-04-02

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437800.shtml>

仝小林团队披露新冠治疗三项最新成果

(来源：科技日报)

日前，中国科学院院士、中国中医科学院首席研究员仝小林团队披露三项科研成果。研究结果显示：中医药治疗新冠肺炎，轻症患者病情无一加重，重型/危重型患者死亡率降低八成多，康复患者症状改善复阳率低。

中药防控，必须要有一个通治的中医药方。仝小林与当地专家拟定出“武汉抗疫方”，又称“1 号方”，通治新冠肺炎轻症、普通型、疑似病人和居家隔离的发热病人。随后武汉市卫健委发文在全市推广“1 号方”，广泛应用于方舱医院和隔离点，并推广到湖北各地。截至目前，湖北省范围内已发放 70 多万副“1 号方”药，5 万多病人服用了此药。

仝小林表示，从轻症、重症/危重症到康复期，是治疗新冠肺炎的三个不同阶段，构成一个完整链条。治疗新冠肺炎，中医药全过程

起效，彰显其独特的优势和作用，为全球抗击疫情贡献了中国智慧。。

发布时间：2020-04-01

链接地址：

http://digitalpaper.stdaily.com/http_www.kjrb.com/kjrb/html/2020-04/01/content_442535.htm?div

≡0

德国发现高效的病毒检测新方法

（来源：中国新闻网）

中新网4月2日电 据外媒报道，近日，德国红十字会献血部和法兰克福大学医院医学病毒学研究所的一个联合研究小组开发出了一种方法，大幅提高了检测新冠病毒的效率，且不影响诊断质量。

该方法可将德国目前日均检测4万人次的水平，提升至日均20万至40万人次，而且“不影响诊断质量”。通常情况下，从当事人的喉咙或鼻腔内取出的粘膜采样会被单独检测，而在新方法中，专家们将多个采样同时置入一种特殊溶液，运用俗称的聚合酶链式反应技术(PCR)检测是否感染了新冠病毒，采样中所含的新冠病毒基因可直接得到确认。一旦检测结果呈阴性，则人们可以相信，其中所有的采样均无新冠病毒。

黑森州科学部在一份通报中表示，这项发明已在美国和欧洲申请专利，由法兰克福的歌德大学和德国红十字会献血部共享，经由歌德大学知识转让公司Innovectis，这一技术可立即提供给其它感兴趣的机构。

发布时间：2020-04-02

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437799.shtm>

“世界最快”新冠病毒检测技术有何特点

(来源：新华网)

3月27日，美国食品和药物管理局批准了美国雅培制药有限公司的快速检测技术。据公司网站介绍，这是目前最快的即时检测技术，能在5分钟内得出新冠病毒阳性结果，13分钟内得出阴性结果。雅培公司本周起为美国卫生系统提供每天5万份样本的检测能力。

据介绍，雅培公司生产的这种检测仪器体积小巧，重6.6磅（约3千克），大小与小型烤面包机类似。检测仪器使用分子技术，可通过识别病毒基因组的一小部分来确认样本中是否存在病毒，准确率高。

4月2日，美国东北部城市底特律开始在全美率先使用这种快速检测技术，为急救人员、医护人员、公交车司机等进行新冠病毒检测。美国加利福尼亚大学洛杉矶分校公共卫生学院副院长、流行病学教授张作风在接受新华社记者采访时表示，这是目前最快的检测技术。这种快速检测技术能大大提高检测效率，一旦检测结果为阳性，可以尽早将患者隔离。特别是对于接触过确诊病人的医护人员以及病人的密切接触者，也可以尽早隔离。如果医护人员检测结果为阴性，可以立即返回一线。

但他表示，一台检测仪器一次只能检测4个人，适合小医院或小型检测机构对小群体的检测，不适用于一次检测几千个样本的大数量检测。同时，雅培公司也没有提供检测方法的敏感性和特异性等信息。

发布时间：2020-04-03

链接地址：<http://news.sciencenet.cn/htmlnews/2020/4/437873.shtm>

研究专题：冠状病毒溯源（二）

造成 COVID-19 疫情的 SARS-CoV-2 可能起源于穿山甲

（来源：Current Biology）

2020 年 3 月 19 日，云南大学的研究人员在《Current Biology》杂志上发表文章，对探索 SARS-CoV-2 潜在中间宿主的研究工作进行了介绍。研究人员对 SARS-CoV-2 以及马来亚穿山甲中的冠状病毒（Pangolin-CoV）进行了基因组及进化研究，发现 Pangolin-CoV 与 SARS-CoV-2 和蝙蝠冠状病毒 BatCoV RaTG13 分别具有 91.02% 和 90.55% 相似性。同时，Pangolin-CoV 的 S1 蛋白与 SARS-CoV-2 的关系比与 RaTG13 的关系密切得多。并且 Pangolin-CoV 和 SARS-CoV-2 之间与人 ACE2 相互作用涉及的五个关键氨基酸残基也是完全一致的，但在 RaTG13 中存在四个氨基酸突变。因此，研究人员推测穿山甲是 SARS-CoV-2 类似 CoV 的天然库。

文献信息：Probable Pangolin Origin of SARS-CoV-2 Associated with the COVID-19 Outbreak. Current Biology. 2020-03-19;

链接地址：

<https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0960982220303602?via%3Dihub>

β 冠状病毒的快速分类以及潜在来源研究

（来源：Letters in Applied Microbiology）

2020 年 2 月 14 日，来自德国和我国武汉的研究人员在《Letters in Applied Microbiology》杂志发表文章，主要是对不同类型 β 冠状病毒进行了全基因组序列比较，证明了病毒基因组的非编码侧翼可以用于四个 β 冠状病毒亚种的分类。同时，研究人员还调查了不同种类蝙蝠在中国的商业价值和贸易目的。从其中一种蝙蝠中获取了许多冠状病毒的基因组，这种蝙蝠在中国主要用于中药。因此该蝙蝠的用途可能

是引起人畜共患冠状病毒流行病的原因。

文献信息：2019_nCoV/SARS - CoV - 2: rapid classification of betacoronaviruses and identification of Traditional Chinese Medicine as potential origin of zoonotic coronaviruses. Letters in Applied Microbiology. 2020-02-14;

链接地址：<https://sfamjournals.onlinelibrary.wiley.com/doi/full/10.1111/lam.13285>

致病性冠状病毒的起源和进化

(来源：Nature Reviews Microbiology)

2018年12月10日，中国科学院武汉病毒研究所及美国明尼苏达大学的研究人员在《Nature Reviews Microbiology》杂志上发表综述性文章。在文章中，研究人员总结了当前 SARS-CoV 和 MERS-CoV 两种冠状病毒起源和进化相关的知识，并且对其受体作用进行了讨论。同时，研究人员还强调了蝙蝠体内冠状病毒的多样性和其传播潜力，比如近期流行的猪急性腹泻综合征冠状病毒 (SADS-CoV) 就被证实来自于蝙蝠。

文献信息：Origin and evolution of pathogenic coronaviruses. Nature Reviews Microbiology. 2018-12-10;

链接地址：<https://www.nature.com/articles/s41579-018-0118-9>

蝙蝠 SARS 相关冠状病毒的丰富基因池探索

(来源：PLoS Pathogens)

2017年11月30日，中国科学院武汉病毒研究所生物科研人员在《PLoS Pathogens》杂志发表文章，报告了在中国云南省多种马蹄蝠栖息的洞穴中对 SARS 相关冠状病毒 (SARSr-CoV) 为期 5 年的监测结果。该文章主要揭示了 11 个新发现的 SARSr-CoV 毒株的全长基因组，揭示了这些 SARSr-CoV 在 S 基因、orf3 和 orf8 的显著序列差

异。此外，他们发现了一些在 S1 基因的高变 N 端域 (NTD) 和受体结合域 (RBD) 分别与 SARS-CoV 具有高度遗传相似性的毒株。同时，他们也首次报道了在 orf3b 以及分裂的 orf8a 和 8b 中与人类 SARS-CoV 非常相似的蝙蝠 SARSr-CoV。并且重组分析显示在这些 SARSr-CoV 之间 S 基因以及 orf8 基因周围频繁发生了重组事件。其中三个新鉴定出的具有不同 S 蛋白序列的 SARSr-CoV 都能够使用人 ACE2 作为受体，进一步显示了该洞穴中的菌株与 SARS-CoV 之间的密切关系。这项工作为 SARS 冠状病毒的起源和演变提供了新的见解，并强调有必要为未来类似 SARS 的疾病出现做好充足准备。

文献信息: Discovery of a rich gene pool of bat SARS-related coronaviruses provides new insights into the origin of SARS coronavirus. PLoS Pathogens. 2017-11-30;

链接地址: <https://journals.plos.org/plospathogens/article?id=10.1371/journal.ppat.1006698>

中国蝙蝠冠状病毒的广泛多样性

(来源: Virology)

2017 年 4 月 3 日，中国疾病预防控制中心联合浙江、河南、贵州等多地疾控中心在《Virology》杂志发表文章，报告了对于中国多个省份采集的蝙蝠体内冠状病毒的研究结果。研究人员从不同省份的 21 个蝙蝠种中采集了 1067 只样本，在蝙蝠体内共鉴定出了 73 种冠状病毒 (32 种 α 冠状病毒和 41 种 β 冠状病毒)。所有新近鉴定的 β 冠状病毒都是 SARS 相关的蝙蝠鼻冠状病毒 (SARSr-Rh-BatCoV)。重要的是，除 S 基因外，贵州省采样的 SARSr-Rh-BatCoVs 的基因组序列与 SARS 相关的人类冠状病毒密切相关。另外，新近鉴定出的 α 冠状病毒表现出很高的遗传多样性，其中一些可能是新的毒株。同时，系统发育分析显示这些病毒是按地理位置而不是蝙蝠物种进行聚类。同一属蝙蝠之间 α 冠状病毒和 β 冠状病毒的种间传播也很普遍。总体

而言, 这些数据表明特定蝙蝠物种之间的高接触率使冠状病毒的获取和传播成为可能。

文献信息: Extensive diversity of coronaviruses in bats from China. *Virology*. 2017-04-03;

链接地址: <https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0042682217301009?via%3Dihub>

沙特阿拉伯骆驼体内冠状病毒的流通及与 MERS-CoV 的重组

(来源: Science)

2016 年 1 月 1 日, 沙特阿拉伯阿卜杜勒阿齐兹国王大学及我国深圳第三人民医院、汕头大学等机构的研究人员在《Science》杂志发表文章, 报告了在 2014 至 2015 年期间对沙特阿拉伯境内的冠状病毒进行监视的结果, 表明 MERS-CoV 毒种和人类 CoV 229E 相关的谱系病毒以高流行率共同传播。并在骆驼的上呼吸道中频繁合并感染。研究人员还发现单峰骆驼和人类共享三种冠状病毒, 并且骆驼中的几种 MERS-CoV 毒株自 2014 年 12 月以来一直在重组过程中占主导地位, 并在 2015 年导致 MERS 疾病爆发。因此, 骆驼是 MERS-CoV 遗传多样性的储藏库, 并且是人类感染这种病毒的来源。

文献信息: Co-circulation of three camel coronavirus species and recombination of MERS-CoVs in Saudi Arabia. *Science*. 2016-01-01;

链接地址: <https://science.sciencemag.org/content/351/6268/81>

与 SARS-CoV 相关新型蝙蝠冠状病毒的分离和鉴定

(来源: Journal of Virology)

2015 年 12 月 30 日, 中国科学院武汉病毒研究所的科研人员在《Journal of Virology》杂志上发表文章, 报道了一种新型蝙蝠冠状病毒的分类和鉴定。研究人员发现, 该新型蝙蝠冠状病毒在基因组序列

上比以前报道蝙蝠冠状病毒更接近于 SARS-CoV, 尤其是其 S 基因序列。同时, 对于病毒进入细胞的机制以及其敏感性分析表明, 该病毒可以利用 ACE2 作为受体感染动物和人类细胞系。这些研究结果为 SARS-CoV 的蝙蝠起源提供了进一步的证据, 并表明未来人类感染蝙蝠冠状病毒也具有一定可能性。

文献信息: Isolation and Characterization of a Novel Bat Coronavirus Closely Related to the Direct Progenitor of Severe Acute Respiratory Syndrome Coronavirus. Journal of Virology. 2015-12-30;

链接地址: <https://jvi.asm.org/content/90/6/3253>

政策与项目

科技部发文规范新型冠状病毒肺炎疫情期已上市药品临床研究

(来源：科技部)

为进一步规范新型冠状病毒肺炎（以下简称新冠肺炎）疫情期间已上市药品开展的临床研究工作，国务院应对新冠肺炎疫情联防联控机制科研攻关组印发了《关于规范医疗机构开展新型冠状病毒肺炎药物治疗临床研究的通知》。通知从临床研究实行医疗机构立项审核制度、省级卫生行政部门临床研究相关信息汇总上报、科研攻关组对临床研究的研讨和书面意见的出具、国家卫生健康委科教司会同医政医管局协调医疗机构承接临床研究任务、各省级卫生行政部门对临床研究进展的跟进和结果的汇总、转送和报送、医疗救治组组织专家对相关药品是否纳入诊疗方案的意见提出等六个方面进行了阐述。同时对违反《通知》、《传染病防治法》、《药品管理法》、《药物临床试验质量管理规范》、《干细胞临床研究管理办法》及《涉及人的生物医学研究伦理审查办法》等相关规定和要求的，以及有明显毒副作用或无明确治疗效果的临床研究，科研攻关组应及时要求医疗机构终止研究。对已经开展（首例受试者已入组）但尚未完成的临床研究，医疗机构应当自本文发布之日起3个工作日内完成立项、登记并上传信息等工作。逾期未完成的医疗机构，不得继续开展临床研究工作。

发布时间： 2020-04-03；

链接地址：

http://www.most.gov.cn/tztg/202004/t20200403_152882.htm

联合国发起新冠肺炎全球响应计划

(来源：新华网)

联合国秘书长古特雷斯当地时间3月25日通过视频会议发起新

冠肺炎全球响应计划，以帮助最脆弱国家抗击疫情，所需资金总额为20亿美元。

该全球响应计划将为脆弱国家提供必需的诊治设备和物资，在难民营和无家可归者居住点安装洗手设备，发起病毒防治宣传，为人道救援人员和救援物资提供空中走廊。

全球响应计划将由联合国人道主义事务协调办公室总协调，由世卫组织、粮农组织、国际移民组织、联合国开发计划署、联合国人口基金、联合国人类住区规划署、联合国难民署、联合国儿童基金会、世界粮食计划署等机构联合国际非政府组织落实。

发布时间： 2020-03-26；

链接地址：

http://www.xinhuanet.com/video/2020-03/26/c_1210530745.htm

WHO 携手中国卫健委、IBM 等联合开展新冠数据中心项目

（来源：TechWeb, ChainPP）

为了让人们方便查看自己是否与任何感染了新冠病毒 COVID-19 的人有过接触，世界卫生组织（WHO）与科技巨头 IBM、甲骨文、微软以及去中心化平台 Hacera 合作创建了一个开放数据的区块链中心项目。

上述基于企业级区块链 Hyperledger Fabric 的项目名为 MiPasa，它包括各种分析工具和数据来源，从而帮助公民和公共卫生官员发现新冠病毒感染的情况。

一个由卫生专业人员、软件 and 应用程序开发人员以及隐私专家组成的多学科小组已经开始支持这个项目。去中心化平台 Unbounded Network 负责系统的数据上线工作。

约翰霍普金斯大学、香港卫生署、中国国家卫生健康委员会、美

国和欧洲疾病预防控制中心以及加拿大的政府也已经相继加入 MiPasa 项目。

发布时间： 2020-03-30;

链接地址：<http://www.techweb.com.cn/blockchain/2020-03-30/2783483.shtml>

<https://www.chainpp.cn/news/detail/110141.html>

湖南公布 10 个中医药新冠肺炎科研专项

(来源：搜狐网)

湖南省中医药管理局公布了 10 个中医药新冠肺炎科研专项，涉及新冠肺炎中医药预防、临床疗效、免疫机制及中医古籍文献研究等领域。

新冠肺炎疫情发生以来，湖南省中医药管理局启动了中医药“战时”科研攻关专项申报工作，多次召开专题研讨会，按程序对“新冠肺炎中医证候流行病学描述性分析与病因病机研究”“新冠肺炎不同证型的中医药辨证论治疗效评价及临床分期诊疗方案研究”“基于代谢组学的湖南省预防新冠肺炎 1 号、2 号方免疫活性研究”等 10 个项目立项支持。

本次立项项目中，项目承担单位多为直接投入疫情防控第一线的单位。湖南省中医药管理局将协同各项目承担单位，进一步推进攻关工作，确保研究顺利进行

发布时间： 2020-03-27;

链接地址：

https://www.sohu.com/a/383523115_120044799

重要网址链接：

中科院成都文献情报中心新型冠状病毒(2019-nCoV)集成信息平台：

<http://www.clas.ac.cn/xwzx2016/163486/xxfysjpt2020/>

Cell Press 冠状病毒资源中心:

<https://www.cell.com/2019-nCOV>

说明:

2019 新型冠状病毒 (SARS-CoV-2) 已经在全球蔓延, 全球各类研究机构纷纷行动起来, 开展疫情防治、病毒研究、疫苗与药品研制等工作。成都文献情报中心学科咨询服务部与昆明动物所图书馆携手, 聚焦我国及全球防疫一线, 及时、准确地提供重点科技信息, 支撑工作在防疫一线科研人员的信息需求。

诚挚邀请科研人员及相关人员与我们联系, 提出更多有针对性需求与建议, 以便进一步提供个性化的服务与产品。我们希望与科研人员一起众志成城, 争取这场防疫抗疫攻坚战的全局胜利!

本期所有摘编信息均有原始出处, 请在使用过程中通过“链接地址”获取原始信息, 并自行甄别和使用。

《新型冠状病毒信息快报》

主 编: 杨志萍

编 辑 部: 中国科学院成都文献情报中心学科咨询部
中国科学院昆明动物所图书馆

编 辑: 刘加兰 卿立燕 徐英祺 史继强 刘忠禹

电子邮件: liujl@mail.kiz.ac.cn (刘加兰, 中国科学院昆明动物所)

qingly@clas.ac.cn (卿立燕, 中国科学院成都文献情报中心)

电 话: 0871-65132477 (刘加兰) / 13982261680 (卿立燕)

本期责任编辑: 陆颖